

HuGen Tracer C3 二代测序STR分型试剂盒



HuGen Tracer C3二代测序STR分型试剂盒,是专为法医应用开发的STR高通量检测试剂盒。通过多重扩增技术,一次性检测78个常染色体STR位点、90个Y染色体STR位点、30个X染色体STR位点以及3个性别位点,位点覆盖GB/T 41009-2021中所有常染色体和Y染色体的核心、优选位点,包含其它重要位点,符合中国公安部的打拐基因座要求。适用于个人识别、亲缘鉴定、Y家系排查、数据库建设、案件检测,有利于X染色体遗传跟踪和特殊亲缘关系鉴定。

位点信息

位点类型	位点数量	具体信息
A-STR	78	所有A、B类位点, 35个C类位点, 14个其他位点
Y-STR	90	所有A、B类位点, 53个C类位点, 2个其他位点
X-STR	30	所有A类位点, 8个B类位点, 2个C类位点
性别	3	Amelogenin, Y indel, SRY



产品优势

● 精选位点, 全面实用

- 1) 覆盖常、Y、X染色体基因座, 包含核心、优选位点
- 2) 满足中国公安部打拐基因座要求
- 3) 适用于个人识别、复杂亲缘鉴定、Y家系排查、数据库建设、案件检测
- 4) 有利于X染色体遗传跟踪和特殊亲缘关系鉴定

● 简化操作, 便捷灵活

- 1) 直接扩增, 适用检材广泛
- 2) 二轮PCR完成文库构建, 无需额外操作
- 3) 全流程自动化, 手动操作缩短至1h
- 4) 通量可选, 应对不同样本量和不同应用场景

● 二代建库, 案件检测

- 1) 灵敏度可达0.1ng
- 2) 对PCR抑制剂有良好耐受性
- 3) 常见非人源物种无扩增或低于检出限
- 4) 扩增子长度150-300bp, 适合微量、降解检材

● 专业分析, 科学精准

- 1) 专业的分析平台, 科学的数据解析助力法医应用
- 2) STR分型、侧翼突变识别、异常基因座智能提示
- 3) 提供同一比对、亲缘鉴定、数据库上传等功能
- 4) 多样本并行分析, 快速报告, 数据自动化传输

性能描述

9948标准品在不同起始量下的检出率

检出率(%)	1M	0.5M	0.25M	0.1M
1ng	100	100	100	100
0.5ng	100	100	100	100
0.25ng	100	100	100	100
0.125ng	100	100	100	98.51
0.0625ng	100	100	99.00	95.02

9948标准品在不同起始量下的准确性

准确性(%)	1M	0.5M	0.25M	0.1M
1ng	100	100	100	100
0.5ng	100	100	100	99.50
0.25ng	100	100	100	98.01
0.125ng	100	100	100	96.52
0.0625ng	100	100	97.51	94.53

1ng 9948标准品在不同浓度的抑制剂下的检出率

检出率(%)	50	100	150
靛蓝(μM)	100	100	99.65
腐殖酸(ng/μL)	100	100	100
血红素(μM)	100	99.73	98.56

1ng 9948标准品在不同浓度的抑制剂下的准确性

准确性(%)	50	100	150
靛蓝(μM)	100	99.43	98.56
腐殖酸(ng/μL)	100	100	100
血红素(μM)	100	99.21	97.65

